

# 人类遗传资源信息管理备份平台

## 操作手册 V2.2

---

更新时间：2025年02月07日

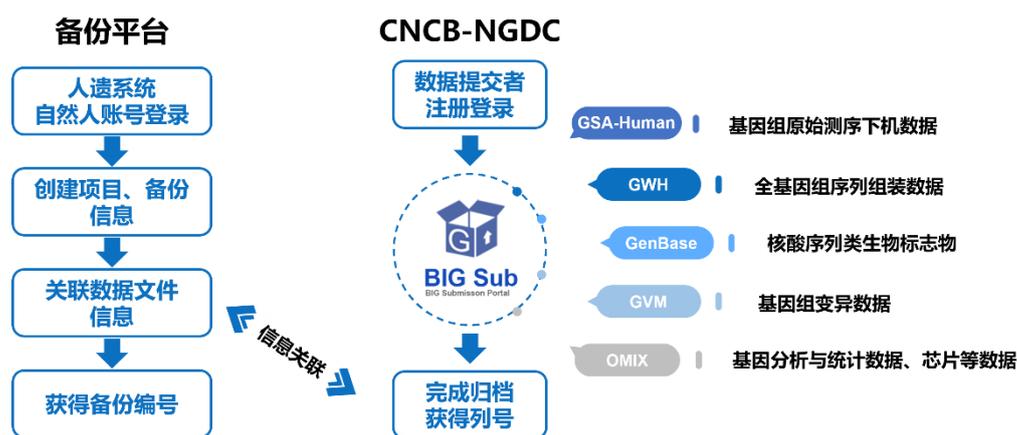
概述 .....	2
注册登录 .....	3
账号功能 .....	4
自然人 .....	4
备份查看.....	4
备份创建.....	4
备份认领.....	13
法人/单位管理员 .....	14
备份查看.....	14
备份管理.....	16
备份认领.....	16
联系我们 .....	17

## 概述

为贯彻落实《中华人民共和国生物安全法》、《中华人民共和国人类遗传资源管理条例》，为确保各项规定落地落实，进一步提高我国人类遗传资源管理效能。人类遗传资源信息向境外组织、个人及其设立或者实际控制的机构提供或者开放使用的，中方信息所有者应当先完成信息备份，然后通过国家卫生健康委员会政务服务平台进行事先报告。

国家生物信息中心（简称“CNCB-NGDC”），依托单位中国科学院北京基因组研究所（国家生物信息中心），承担国家人类遗传资源信息管理备份平台（简称“备份平台”）运行维护任务。为了配合实施细则的执行，备份平台进行了系统升级，已实现与人类遗传资源服务管理系统（简称“人遗系统”，<https://www.hgrg.net/login>）的用户账号一体化管理。同时，备份平台进一步优化了备份流程并初步实现备份编号的实时同步，旨在提升数据备份的效率和可靠性，为广大科研人员提供便利的人类遗传资源数据备份、管理、共享和应用服务。

系统升级后的信息备份流程包括：用户账号登录、创建项目、备份信息、创建文件信息与数据信息关联，完成以上所有步骤并提交即可获得备份编号。简要流程可参考下图：



数据备份流程图

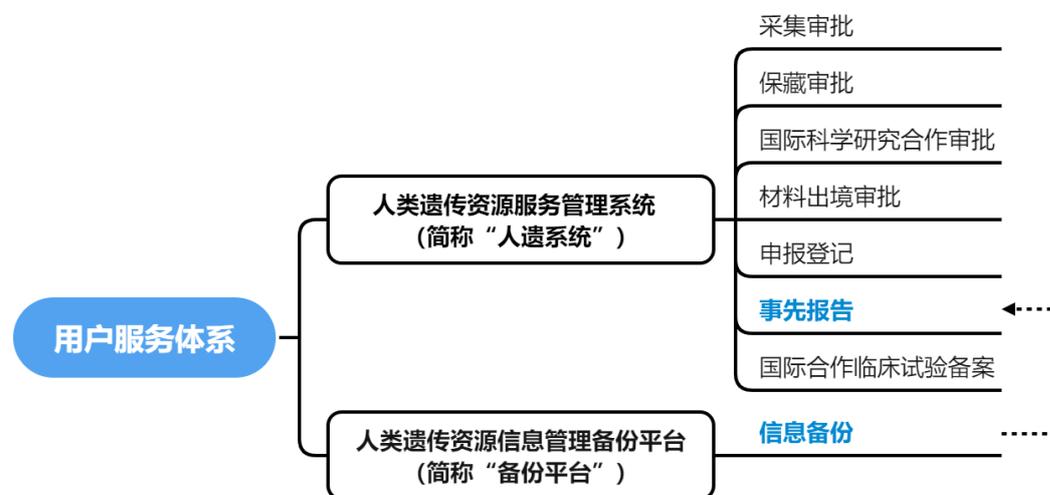
**重要提示：**在进行数据信息关联之前，需先将数据文件提交到 CNCB-NGDC 的数据资源库中。数据类型与递交方式指南如下：

对应数据库	数据类型	格式类型
<a href="#">GSA-Human</a>	组学原始测序数据	邮箱: <a href="mailto:gsa@big.ac.cn">gsa@big.ac.cn</a> QQ 群: <a href="#">548170081</a>
<a href="#">GWH</a>	全基因组组装数据	邮箱: <a href="mailto:gwh@big.ac.cn">gwh@big.ac.cn</a> QQ 群: <a href="#">183915274</a>
<a href="#">GVM</a>	基因组变异数据	邮箱: <a href="mailto:gvm@big.ac.cn">gvm@big.ac.cn</a> QQ 群: <a href="#">468638108</a>
	变异芯片数据	
	全基因组关联分析数据	
<a href="#">GenBase</a>	核酸序列类生物标志物	邮箱: <a href="mailto:genbase@big.ac.cn">genbase@big.ac.cn</a> QQ 群: <a href="#">629388189</a>
<a href="#">OMIX</a>	基因组芯片原始数据	邮箱: <a href="mailto:gsa@big.ac.cn">gsa@big.ac.cn</a> QQ 群: <a href="#">516418530</a>
	芯片统计与分析数据	
	其它核酸类生物标志物	
	各类统计与分析数据	

## 注册登录

新备份平台与人遗系统（网址：<https://www.hgrg.net/login>）已实现了用户账号的一体化，用户可以使用同一个账号登录两个系统，方便快捷地管理备份信息和办理人类遗传资源服务相关业务。

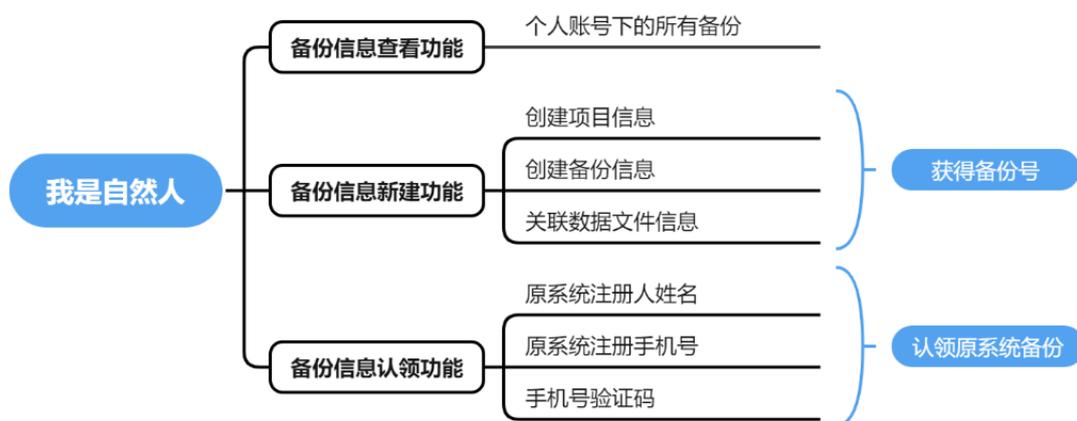
如果您尚未在[人遗系统](#)注册，请先进行注册并获取法人（单位）授权后再登录本系统；如已注册，您可以直接登录。



## 账号功能

### 自然人

在备份平台中，自然人作为业务层，可以进行名下备份查看、新备份创建、原备份认领等面向自然人的服务事项。用户账号一体化后，自然人仅能使用其个人账号下的备份信息通过[人遗系统](#)进行“事先报告”业务办理。



### 备份查看

自然人可查看本人账号所有备份信息。**注意：**自然人首次登录系统时，如注册信息（包括姓名、手机号和单位信息）与[原备份平台](#)一致，系统会自动将[原备份平台](#)中已获得备份号的备份信息归入该账号。

### 备份创建

自然人用户账号完成单位认证后即可开始进行信息备份。数据备份流程主要包括：①创建项目信息、②创建备份信息、③创建文件信息与数据信息关联，完成以上所有步骤并提交即可④获得备份编号。具体操作步骤如下：

#### • 创建项目信息

开始备份前，首先需要创建项目，点击左侧导航栏的【新建项目】，根据要求，依次填写项目名称、项目负责人、负责人邮箱（该信息在关联数据时起到关键作用）、单位名称，确定无误后点击【立即创建】完成提交。

**注意：**一旦提交，自然人暂无权删除或修改已创建的信息。

- **项目名称：**您可以根据个人偏好自行填写项目名称，但请注意确保同一账户下的项目名称不可重复。
- **项目负责人：**请填写承担该项目研究的负责人的真实姓名。
- **负责人邮箱：**建议使用单位邮箱，请务必仔细核对确保填写无误，并建议在后续数据提交过程中使用此邮箱。
- **单位名称：**如果您的账号已在“[人遗系统](#)”获得单位认证，本系统会自动匹配单位名称，无需填写。如果您尚未获得认证，请前往“[人遗系统](#)”完成认证。

**新建项目**

**添加须知**

项目名称: 您可以根据个人偏好自行填写项目名称, 但请注意确保同一账户下的项目名称不可重复。

项目负责人: 请填写承担该项目研究的负责人的真实姓名。

负责人邮箱: 建议使用单位邮箱, 请务必仔细核对确保填写无误, 并建议在后续数据提交过程中使用此邮箱。

单位名称: 如果您的账号已在[人类遗传资源服务管理系统](#)获得法人的授权许可, 系统会自动匹配单位名称, 无需填写。如果您尚未获得授权许可, 请到[人遗系统](#)申请授权, 并提醒法人单位审核通过。

**注意:** 请认真填写每条信息, 一旦提交, 自然人暂无权删除或修改已创建的信息。

\* 项目名称

\* 项目负责人

\* 负责人邮箱

\* 单位名称

系统会自动获取单位名称, 请到备案系统中完成单位信息认证

1. 执行此操作, 将提交相关项目信息, 请认真负责填写。  
2. 若蓄意录入虚假信息, 需录入者自行承担相应后果。

\* 同意协议  我已阅读并同意以上协议

## • 创建备份信息

在上一步创建项目后，会自动跳转到“项目列表”，可在列表中查看项目具体信息。创建备份信息的具体操作流程如下：

1. **添加备份项：**点击新建项目操作列中的【查看】进入备份列表。点击【添加】填写基本信息；

项目列表

序号	项目名称	负责人姓名	创建时间	操作
1	三例样本（父母子）的测序数据开放共享备案	刘晓寒	2023-06-28	<a href="#">查看</a>

共 1 条

点击进入“备份列表”



项目名称：三例样本（父母子）的测序数据开放共享备案

项目描述

项目负责人：刘晓寒，邮箱：data-admin@big.ac.cn

备份列表

提示：同一批次备份数据，取得备份号后，不用重复备份。如有接收方国家变更或增加，请去备案系统重新备案即可。

[添加](#)

序号	备份名称	备份号	备案号	文件数	总数据量	创建时间	状态	操作
暂无数据								

共 0 条

点击创建新备份

2. 填写基本信息：确定备份信息填写无误后，点击【立即创建】提交。

- 选择“涉及内容”时请谨慎，因为“添加常规文件”中的下拉菜单会根据所选的“涉及内容”进行相应的调整；

- 一旦获得备份号，不支持对文件信息进行追加操作。如需追加，请新建备份。[人遗系统](#)支持一项事先报告关联多个备份号。

人类遗传资源信息管理备份平台

添加备份

\* 备份名称

\* 涉及内容 (可多选)

全基因组测序相关数据  全基因组芯片相关数据  全外显子组测序相关数据

基因组靶向测序相关数据  表观组测序相关数据  转录组测序相关数据

按实际情况进行选择

1、请谨慎选择相关内容，并根据实际情况进行操作。关联文件中的下拉菜单会根据内容变化做出相应调整；

2、备份号获得后不可追加内容，如需追加请新建备份。[人类遗传资源服务管理系统](#)支持一个备案关联多个备份号。

[提交](#) [重置](#)

3. 完成备份信息添加：新添加的备份信息将显示在备份列表中。

- 可通过点击【修改】按键重新调整备份名称和涉及内容；
- 可通过点击【添加文件】按键，进入文件信息关联页面。

 操作指南

 项目列表

 新建项目

 备份认领

**项目名称：三例样本（父母子）的测序数据开放共享备案**

---

**项目描述**

项目负责人：刘晓寒，邮箱：data-admin@big.ac.cn

**备份列表**

提示：同一批次备份数据，取得备份号后，不用重复备份。如有接收方国家变更或增加，请去人遗资源服务管理系统重新备案即可。

[添加](#)

序号	备份名称	备份号	备案号	文件数	总数据量	创建时间	状态	操作
1	三例样本（父母子）的测序数据开放共享备份	BF2023062816036		2	500 MB	2023-06-28	已完成	<a href="#">查看文件</a>
2	三例样本（父母子）的测序数据对外提供					2023-07-13	未完成	<a href="#">添加文件</a> <a href="#">修改</a>

[返回](#)

### • 关联数据文件信息

在备份列表中，点击【添加文件】按钮进入提交文件信息页面。在进行数据信息关联之前，需先将数据文件提交到 CNCB-NGDC 的数据资源库中。如果您的数据还未提交，请先使用项目负责人邮箱（**创建项目时填写的项目负责人邮箱**）注册账号并完成数据提交后，再进行信息关联。

数据库信息与联系方式如下：

对应数据库	数据类型	格式类型
<a href="#">GSA-Human</a>	组学原始测序数据	邮箱： <a href="mailto:gsa@big.ac.cn">gsa@big.ac.cn</a> QQ 群： <a href="#">548170081</a>
<a href="#">GWH</a>	全基因组组装数据	邮箱： <a href="mailto:gwh@big.ac.cn">gwh@big.ac.cn</a> QQ 群： <a href="#">183915274</a>
<a href="#">GVM</a>	基因组变异数据	邮箱： <a href="mailto:gvm@big.ac.cn">gvm@big.ac.cn</a> QQ 群： <a href="#">468638108</a>
	变异芯片数据	
	全基因组关联分析数据	
<a href="#">GenBase</a>	核酸序列类生物标志物	邮箱： <a href="mailto:genbase@big.ac.cn">genbase@big.ac.cn</a> QQ 群： <a href="#">629388189</a>
<a href="#">OMIX</a>	基因组芯片原始数据	邮箱： <a href="mailto:gsa@big.ac.cn">gsa@big.ac.cn</a> QQ 群： <a href="#">516418530</a>
	芯片统计与分析数据	
	其它核酸类生物标志物	
	各类统计与分析数据	

如果您的数据已提交至 CNCB-NGDC 的数据资源库中，请依照以下方式完成数据文件信息关联，具体操作流程如下：

## 1. 添加常规数据文件项：点击【添加常规文件】，填写详细信息

**三例样本（父母子）的测序数据对外提供**

涉及内容：  
基因组靶向测序相关数据。 [修改](#)

**添加常规数据须知**

- 如果您的数据已提交至国家生物信息中心（China National Center for Bioinformation, CNCB-NGDC）的数据资源库中，请点击相应按键完成添加；
- 如果您的数据还未提交，请先使用项目负责人邮箱：[data-admin@big.ac.cn](mailto:data-admin@big.ac.cn)，按数据类型将数据提交至对应数据库后，再进行添加。

对应数据库	数据类型
<a href="#">GSA-Human</a>	组学原始测序数据
<a href="#">GWH</a>	基因组组装数据
<a href="#">GVM</a>	基因组变异数据
	变异芯片数据
<a href="#">OMIX</a>	基因组芯片原始数据
	芯片统计与分析数据
	核酸类生物标志物
	各类基因、基因组分析与统计数据

注：基因数据是记录生物个体遗传信息的数据，包含基因组的序列信息，通过基因测序技术获取的分析与分析数据，以及基因与表型关联信息等。请务必提交数据，而非论文、报告或参与会议的ppt等。

文件列表 [添加常规文件](#)

序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作
暂无数据						

< 1 > 前往 1 页 共 0 条

[返回](#)

**添加常规数据**

\* 详细类型    
此类型数据库请提交至[GSA-Human](#)数据库

\* 合计例数

\* 规格(MB/例)

\* 数据库提交账号

\* 数据集序列号

[立即创建](#) [重置](#)

所选数据类型会提示对应提交数据库

- “数据库提交账号”填写数据提交账号邮箱；
- “数据集序列号”填写在数据库中获得的数据归档编号

## 2. 数据文件信息校验：核查填写无误后点击【立即创建】。系统会对提交账

号与数据集序列号进行校验。如果提示“**提交账号与数据集序列号不匹配**”，请检查确认“**数据集序列号**”或“**数据库提交账号**”是否填写有误。如需更多帮助，可致电 010-84097816 或者直接咨询对应数据库。

数据库	服务邮箱	QQ 交流群
GSA-Human	<a href="mailto:gsa@big.ac.cn">gsa@big.ac.cn</a>	<a href="#">548170081</a>
GWH	<a href="mailto:gwh@big.ac.cn">gwh@big.ac.cn</a>	<a href="#">183915274</a>
GenBase	<a href="mailto:genbase@big.ac.cn">genbase@big.ac.cn</a>	<a href="#">629388189</a>
GVM	<a href="mailto:gvm@big.ac.cn">gvm@big.ac.cn</a>	<a href="#">468638108</a>
OMIX	<a href="mailto:gsa@big.ac.cn">gsa@big.ac.cn</a>	<a href="#">516418530</a>

3. 完成文件信息添加：提交账号与数据集序列号通过校验后。通常会出现以下两种情况：

如果“**数据库提交账号**”与“**项目负责人邮箱**”一致，数据文件信息添加完成。新添加的文件信息将显示在文件列表中，“**进度**”状态为“**完成**”。您可点击【**修改**】更新“**合计例数**”和“**规格（MB/例）**”信息修改

下拉菜单会根据所选的“涉及内容”进行相应的调整

“数据库提交账号”与“项目负责人邮箱”一致，都是 data-admin@big.ac.cn

文件列表 添加常规文件

序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA000567	完成	修改 删除

共 1 条

返回 提交

如果“数据库提交账号”与“项目负责人邮箱”不一致，需获得数据提交者授权后，方可完成信息关联。添加的文件信息同样会显示在文件列表中，但进度状态为“待验证”。

添加常规数据

\* 详细类型: 组学分析与统计数据  
此类型数据库请提交至OMIX数据库

\* 合计例数: 10

\* 规格(MB/例): 5

\* 数据库提交账号: zhangxx@big.ac.cn

\* 数据集序列号: OMX001226

立即创建 重置

“数据库提交账号” (zhangxx@big.ac.cn) 与 “项目负责人邮箱” (data-admin@big.ac.cn) 不一致



文件列表 添加常规文件

序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA000567	完成	修改 删除
2	组学分析与统计数据	10	5	OMX001226 <span style="border: 1px solid red; padding: 2px;">发送验证码</span>	待验证	输入验证码 校验 修改 删除

共 2 条

返回 提交

数据集授权流程如下：

- 发送邮箱验证码：点击【发送验证码】，数据集授权验证码以邮件形式发

送到“数据库提交账号”邮箱，请及时联系数据库提交者登录邮箱查收验证码，该验证码有效期为 48 小时。

文件列表 添加常规文件

序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作
1	组学原始测序数据	50	2000		完成	<span>修改</span> <span>删除</span>
2	组学分析与统计数据	10	5	OMIX001226 <span>发送验证码</span>	待验证	<input type="text" value="输入验证码"/> <span>校验</span> <span>修改</span> <span>删除</span>

< 1 > 前往 1 页 共 2 条

返回 提交



温馨提示

数据集授权验证码已成功发送，请您及时联系提交者获取验证码并正确填入系统进行校验。  
注：发送验证码有效期 48 小时，每 5 分钟可重发一次。

确定



**【人类遗传资源信息管理备份平台】数据集验证码** 发起会议

hgrip@big.ac.cn 发送给 zhangxx@big.ac.cn 2023-06-28 18:03:53

---

人类遗传资源信息管理备份平台数据集验证码

---

[zhangxx@big.ac.cn](mailto:zhangxx@big.ac.cn)

您好，您的验证码为：**320000** 邮箱验证码

该验证码由张晓寒通过人类遗传资源信息管理备份平台向您发送，用于确认您在OMIX (<https://ngdc.cncb.ac.cn/omix/>) 系统中提交的编号为 **OMIX001226**的数据集在人类遗传资源信息管理备份平台中使用，相关项目名称为“三例样本（父母子）的测序数据开放共享备案”。

此验证码有效期48小时，请勿外泄。

人类遗传资源信息管理备份平台网址：<https://ngdc.cncb.ac.cn/hgrip/>

2023-06-28

---

注意： 这封邮件是由系统自动发送，请不要直接回复它。

• **完成验证码校验**：正确输入邮箱验证码，点击【**校验**】。如校验成功后进度状态显示为“完成”，即数据信息关联成功。

文件列表 添加常规文件

序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA000567	完成	<span>修改</span> <span>删除</span>
2	组学分析与统计数据	10	5	OMX001226 <span>发送验证码</span>	待验证	<input type="text" value="320000"/> <span>校验</span> <span>修改</span> <span>删除</span>

输入验证码  
并点击校验

返回 提交



文件列表 添加常规文件

序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA000567	完成	<span>修改</span> <span>删除</span>
2	组学分析与统计数据	10	5	OMX001226	完成	<span>修改</span> <span>删除</span>

完成数据信息关联

返回 提交

• **获得备份编号**

当所有备份文件信息完成关联，则可点击文件列表下方的【**提交**】。完成提交后，系统将为该备份分配**唯一备份号**，同时备份信息锁定。备份列表中此备份状态显示为“已完成”。

文件列表 添加常规文件

序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA000567	完成	<span>修改</span> <span>删除</span>
2	组学分析与统计数据	10	5	OMX001226	完成	<span>修改</span> <span>删除</span>

返回 提交



### 项目名称：三例样本（父母子）的测序数据开放共享备案

#### 项目描述

项目负责人：刘晓寒，邮箱：data-admin@big.ac.cn

#### 备份列表

提示：同一批次备份数据，取得备份号后，不用重复备份。如有接收方国家变更或增加，请去备案系统重新备案即可。

序号	备份名称	备份号	备案号	文件数	总数据量	创建时间	状态	操作
1	三例样本（父母子）的测序数据开放共享备份	BF2023062816036		2	500 MB	2023-06-28	已完成	<a href="#">查看文件</a>

< 1 > 前往 1 页 共 1 条

**重要提示：**备份信息锁定后，可点击【查看文件】查看已备份的文件信息和修改“合计例数”和“单位规格”，但无法再追加文件信息。

### 备份认领

如存在原备份平台的已获得备份号的备份信息未归入情况，可使用认领功能。具体流程如下：

- 输入“原系统注册人姓名”、“原系统注册手机号”
- 通过“手机验证码”完成验证后，即可完成已获得备份号的信息认领

  
操作指南

  
项目列表

  
新建项目

  
备份认领

### 旧系统备份信息认领

**认领须知**

人类遗传资源信息管理备份平台（简称“备份平台”）已实现与人类遗传资源服务管理系统的用户账号一体化管理。您可以通过此功能认领备份平台中已获得备份号的备份信息，具体流程如下：

- 输入“**原系统注册人姓名**”和“**原系统注册手机号**”，以及“**手机验证码**”进行账户信息验证；
- 验证通过后，点击提交即可完成该用户在原备份平台中所有已获得备份号的信息认领。

\* 原系统注册人姓名

\* 原系统注册手机号  0/11

\* 手机验证码  获取验证码

1. 新委托人必须与原系统注册人属于同一家单位（公司），不支持跨单位（公司）认领；

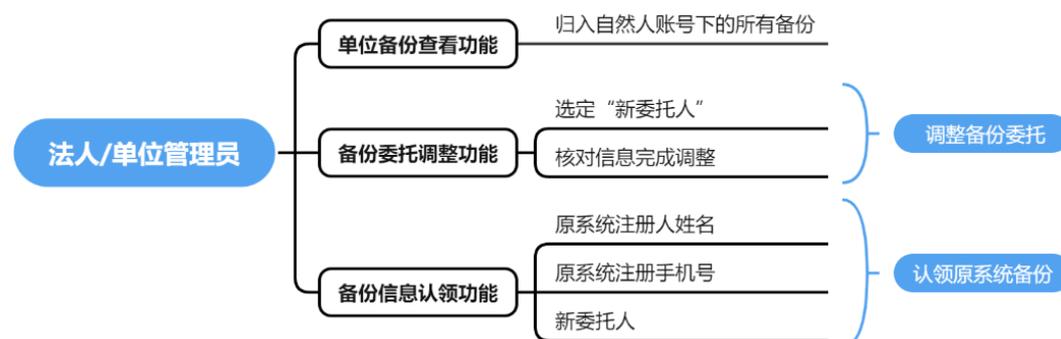
2. 如果因单位（公司）名称中**个别字词**不一致造成无法认领，请及时联系我们；

3. 备份信息一旦认领成功，不可再次认领。请确保您为原平台账号所有者或已获得所有者的同意。

提交
重置

## 法人/单位管理员

法人/单位管理员作为管理层，可以进行备份信息查看、备份委托调整、原备份认领等面向法人的服务事项。



## 备份查看

法人（单位）可查看到名下查看已归入自然人账号下的所有备份。单位管理员可查看到所在单位的备份信息，通过点击备份编号进入可查看备份详情。

- 
- 
- 
- 
-

### 备份列表

新系统中，法人可查看到名下所有单位的备份信息。单位管理员可查看到所在单位的备份信息。如法人/单位管理员发现原系统的备份信息存在未归入情况，请点击进入“备份认领”进行操作。

已完成备份列表    未完成备份列表
单位

备份名称: 
 项目负责人: 
 委托:

备份号: 
 备案号:

序号	备份号	备份名称	备案号	项目负责人	委托人	创建时间
1	BF2023062816036	三例样本（父母子）的测序数据开放共享备份		刘晓寒	张晓寒	2023-06-28

点击进入查看备份详细信息



- 
- 
- 
- 
-

### 备份详细信息

**基本信息**

项目名称	三例样本（父母子）的测序数据开放共享备案		
备份编号	BF2023062816036	备份名称	三例样本（父母子）的测序数据开放共享备份
文件数	2	总大小	500 MB
完成情况	已完成	备案编号	
项目负责人	刘晓寒	联系方式	data-admin@big.ac.cn
委托人	张晓寒	授权时间	2023-06-27 11:26:27
单位信息	国家基因组科学数据中心测试	涉及内容	全基因组测序相关数据, 全基因组芯片相关数据, 全外显子组测序相关数据, 基因组靶向测序相关数据, 表观组测序相关数据, 转录组测序相关数据

**文件列表信息**

序号	详细类型	合计制数	单位规格(MB/制)	文件名称/数据编号
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA000567
2	组学分析与统计数据	10	5	OMIX001226

法人（单位）可查看名下所有单位的人员信息。单位管理员可查看到所在单位的人员信息。

- 
- 
- 
- 
-

### 人员信息浏览

查询

序号	姓名	角色	单位
1	陈	自然人	国家基因组科学数据中心测试
2	张	自然人	国家基因组科学数据中心测试
3	陈	自然人	国家基因组科学数据中心测试
4	许	自然人	国家基因组科学数据中心测试
5	朱	法人	国家基因组科学数据中心测试
6	张	自然人	国家基因组科学数据中心测试

< 1 >
前往 1 页
共 6 条

## 备份管理

法人/单位管理员可以使用“**委托调整**”功能来管理备份信息的委托权。委托完成后，委托人（自然人）可使用关联后的备份信息完成“**事先报告**”业务。

具体操作如下：

- 请点击操作列的“**委托调整**”，输入“**新委托人**”姓名；
- 点击确定即可完成所有备份移交。

- 
- 
- 
- 
-

### 备份委托权调整

法人/单位管理员有权调整某个自然人的委托权。一旦授权完成，新委托人（自然人）便可使用关联的备份信息前往人类遗传资源服务管理系统办理“**事先报告**”业务。具体操作如下：

- 请点击操作列的“**委托调整**”，选择“**新委托人**”姓名。
- 点击确定即可完成所有备份移交。

委托人信息浏览

委托人:  单位:  状态: 
查询
重置

序号	委托人	单位	角色	项目数	备份数	状态	操作
1	张晓寒	国家基因组科学数据中心测试	自然人	1	已完成: 1; 未完成: 2;	在职	<span style="background-color: #007bff; color: white; padding: 2px 5px; border-radius: 3px;">委托调整</span>

< 1 >
前往 1 页
共 1 条

## 备份认领

与自然人相似，法人/单位管理员也可通过此功能认领原备份平台中已获得备份号的备份信息。具体流程如下：

- 输入“**原系统注册人姓名**”和“**原系统注册手机号**”以及指定“**新委托**

人”;

- 信息校验无误后，即可完成所有已获得备份号的信息认领。

 操作指南

 成员列表

 备份列表

 委托调整

 备份认领

### 旧系统备份信息认领

#### 认领须知

人类遗传资源信息管理备份平台（简称“备份平台”）已实现与人类遗传资源服务管理系统的用户账号一体化管理。您可通过此功能认领原备份平台中已获得备份号的备份信息，具体流程如下：

- 输入“原系统注册人姓名”和“原系统注册手机号”，选择“新委托人”，进行账户信息校验；
- 验证通过后，点击提交即可完成该用户在原备份平台中所有已获得备份号的信息认领。

\* 旧系统注册人姓名

\* 旧系统注册手机号  0/11

\* 新委托人

1. 新委托人必须与原系统注册人属于同一单位（公司），不支持跨单位（公司）认领；

2. 如果因单位（公司）名称中个别字不同造成无法认领，请及时联系我们；

3. 备份信息一旦认领成功，不可再次认领。请确保您为原平台账号所有者或已获得所有者的同意。

## 联系我们

在数据备份过程中，有遇到任何问题，请随时联系我们。服务热线：010-84097816 / 010-84097340，服务邮箱：[hgrip@big.ac.cn](mailto:hgrip@big.ac.cn)。