



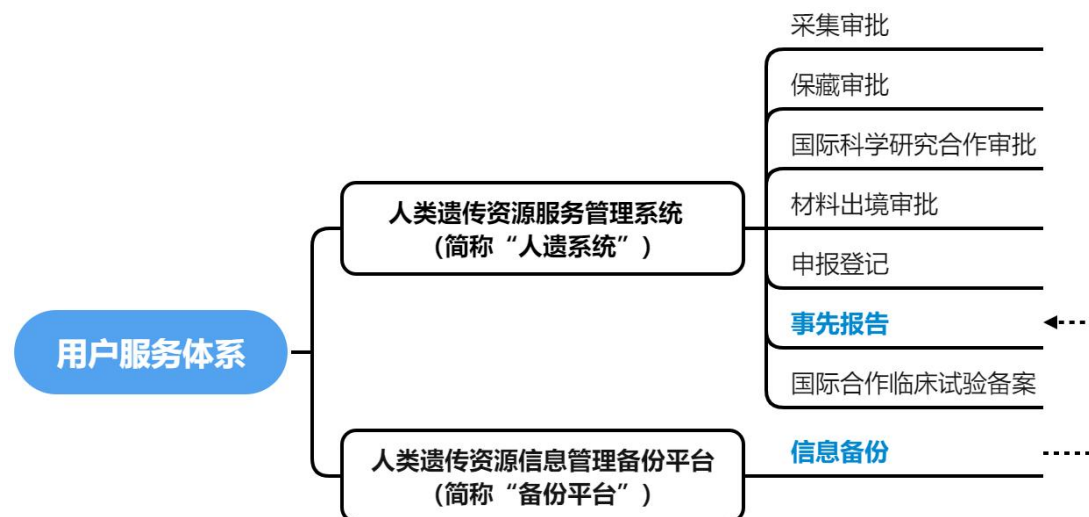
人类遗传资源信息管理备份平台

人类遗传资源信息管理备份平台使用须知

为了配合《人类遗传资源管理条例实施细则》（以下简称《实施细则》）的执行，进一步提高我国人类遗传资源管理效能。人类遗传资源信息管理备份平台（简称“新备份平台”）已实现与[人类遗传资源服务管理系统](https://apply.hgrg.net)（简称“人遗系统”）的用户账号一体化管理。针对新系统使用问题，说明如下：

一、账号注册与登录

新备份平台与[人遗系统](https://apply.hgrg.net)（网址：<https://apply.hgrg.net>）已实现账号一体化，用户可以使用同一个账号登录两个系统，方便快捷地管理备份信息和办理人类遗传资源服务相关业务。如果您尚未在人遗系统注册，请先完成注册，上传证件进行实名认证，并获得法人（单位）授权后再登录本系统；如您已经注册，并完成了实名认证和法人授权，则可以直接登录。



二、自然人用户的主要功能与职责



人类遗传资源信息管理备份平台

自然人作为业务层，可以进行新备份创建、名下备份查看、原备份认领等面向自然人的服务事项。用户账号一体化后，自然人仅能使用其个人账号下的备份信息通过人遗系统进行“事先报告”业务办理。

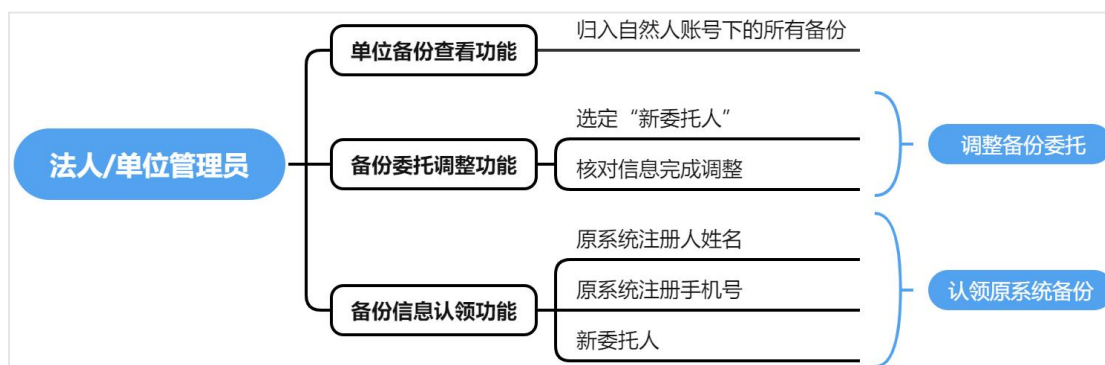
主要功能	注意事项
备份信息查看功能	自然人可查看名下所有备份信息
备份信息新建功能	备份流程包括三步：① 创建项目信息；② 创建备份信息；③ 关联数据文件信息 完成以上所有步骤并提交，即可获得备份编号。 更多细节详见“ 操作手册 ”
备份信息认领功能	自然人首次登录系统时，如注册信息（包括姓名、手机号和单位信息）与原备份平台一致，系统会自动将原备份平台中已获得备份号的备份信息归入该账号。如存在未归入情况，可使用认领功能。具体流程如下： • 输入“原系统注册人姓名”、“原系统注册手机号” • 通过“手机验证码”完成验证后，即可完成已获得备份号的信息认领

三、法人/单位管理员的主要功能与职责

法人/单位管理员作为管理层，可以进行备份信息查看、备份委托调整、原备份认领等面向法人的服务事项。



人类遗传资源信息管理备份平台



主要功能	注意事项
备份信息查看功能	法人/单位管理员可查看已归入自然人账号下的所有备份
备份委托调整功能	法人/单位管理员可调整委托权。一旦授权完成，委托人（自然人）便可使用关联的信息前往人遗系统办理“事先报告”业务。具体操作如下： • 点击操作列的“委托调整”，输入“新委托人”姓名 • 确认并提交后，即可完成所有备份移交
备份信息认领功能	与自然人相似，法人/单位管理员也可通过此功能认领原备份平台中已获得备份号的备份信息。具体流程如下： • 输入“原系统注册人姓名”和“原系统注册手机号”以及指定“新委托人”； • 信息校验无误后，即可完成所有已获得备份号的信息认领。

四、人类遗传资源数据对外提供或开放使用事先报告信息类型

根据《实施细则》规定，人类遗传资源信息包括利用人类遗传资源材料产生的人类基因、基因组数据等信息，不包括临床数据、影像、蛋白质和代谢数据信息。具体类型如下：



人类遗传资源信息管理备份平台

- **全基因组测序：**包括全基因组原始测序数据、全基因组组装数据、全基因组变异数据、全基因组分析与统计数据；
- **全基因组芯片：**包括全基因组芯片原始数据、全基因组变异芯片数据、全基因组芯片相关统计或分析数据；
- **全外显子组测序：**包括全外显子组原始测序数据、全外显子组变异数据、全外显子组分析与统计数据；
- **基因组靶向测序：**包括基因组靶向原始测序数据、核酸类生物标志物、基因组靶向分析与统计数据；
- **表观组测序：**包括表观组原始测序数据、核酸类生物标志物、表观组分析与统计数据；
- **转录组测序：**包括转录组原始测序数据、核酸类生物标志物、转录组分析与统计数据。

五、备份数据文件递交服务

备份数据文件需先在国家生物信息中心（China National Center for Bioinformation, CNCB-NGDC）的数据资源库中完成提交，再通过备份平台进行关联。CNCB-NGDC 提供多种类型的数据递交服务，如果您的数据文件较大，需要使用硬盘邮寄的方式，请及时联系数据库以获取相应指导和帮助。

对应数据库	数据类型	联系方式
GSA-Human	组学原始测序数据	邮箱： gsa@big.ac.cn QQ 群：548170081
GWH	基因组组装数据	邮箱： gwh@big.ac.cn QQ 群：541196594



人类遗传资源信息管理备份平台

对应数据库	数据类型	联系方式
GVM	基因组变异数据	邮箱: gvm@big.ac.cn
	变异芯片数据	QQ 群: 468638108
GenBase	核酸序列类生物标志物	邮箱: genbase@big.ac.cn QQ 群: 629388189
OMIX	基因组芯片原始数据	邮箱: gsa@big.ac.cn QQ 群: 516418530
	芯片统计与分析数据	
	其它核酸类生物标志物	
	各类统计与分析数据	

六、其他

备份服务热线: 010-84097816 / 010-84097340

备份服务邮箱: hgrip@big.ac.cn

事先报告咨询热线: 010-88225151

相关链接: [人类遗传资源服务管理系统](#); [国家基因组科学数据中心](#)